Private Fugaku環境整備の流れ



- 下記の手順でPrivate Fugakuを実行可能な環境を構築する
- 1. AWSのEC2インスタンス作成
- 2. ParallelClusterのインストール
- 3. ParallelClusterでクラスタを作成するための定義ファイルの作成
- 4. クラスタの作成
- 5. Singularityのインストール
- 6. アプリの実行

※AWSのEC2インスタンス作成はユーザーにより実施とし、上記2.以降の手順を説明する。

ParallelClusterのインストール



AWS Document

- 「Install AWS ParallelCluster in a virtual environment (recommended)」
- <u>https://docs.aws.amazon.com/parallelcluster/latest/ug/install-v3-virtual-environment.html</u>

ParallelCluster定義ファイルの作成



AWS Document

- 「Cluster configuration file」
- <u>https://docs.aws.amazon.com/parallelcluster/latest/ug/cluster-configuration-file-v3.html</u>
- <u>https://docs.aws.amazon.com/parallelcluster/latest/ug/Scheduling-v3.html#Scheduling-v3-SlurmQueues</u>

クラスタの作成

AWS Document

- RIKEN
- Configure and create a cluster with the AWS ParallelCluster command line interface]
- <u>https://docs.aws.amazon.com/parallelcluster/latest/ug/install-v3-configuring.html</u>

Singularityのインストール



SingularityCE Admin Guide

- 「Install from Source」
- <u>https://docs.sylabs.io/guides/4.1/admin-guide/installation.html#install-from-source</u>

アプリの実行



• Sylabs Cloud LibraryからSingularityコンテナイメージをダウンロードする

\$ singularity pull library://riken-rccs/virtual-fugaku/vf-ver1.2

- このコンテナには富岳で利用頻度の高い下記アプリがインストールされている
 - autodock-vina
 - cp2k
 - cpmd
 - darshan-runtime
 - fds
 - ffmpeg
 - frontistr
 - genesis
 - gnuplot
 - grads
 - gromacs
 - gsl
 - julia
 - Lammps
 - openbabel
 - openfoam
 - openfoam-org
 - openmx
 - paraview

- petsc
- povray
- py-ase
- py-matplotlib
- py-mpi4py
- py-netcdf4
- py-pandas
- py-scikit-learn
- py-scipy
- py-tensorflow
- py-toml
- py-torch
- py-xarray
- quantum-espresso
- salmon-tddft
- scale
- tmux
- wrf

※ genesis, gromacs, scale の実行例を次頁以降で示す

アプリの実行例1:genesis



- 動作完了の条件 標準出力の「Output_Time> Averaged timer profile (Min, Max)」以降に計測時間のプロ ファイル情報が出力される
- 入力データ

https://www.r-ccs.riken.jp/labs/cbrt/wp-content/uploads/2020/12/benchmark_mkl_ver4_nocrowding.tar.gz

実行スクリプト

#!/bin/bash
#SBATCH -p satf01
#SBATCH --ntasks=8
#SBATCH --cpus-per-task=8
#SBATCH --ndes=1
#SBATCH --ntasks-per-node=8
#SBATCH -J test_genesis

```
SIFFILE=~/vf-ver1.2_latest.sif
```

```
export SINGULARITY_BIND=${PWD},/opt/amazon,/usr/lib64/libefa.so.1,/usr/lib64/libibverbs.so.1
export OMP_NUM_THREADS=${SLURM_CPUS_PER_TASK}
```

cd npt/genesis1.6_2.5fs/jac_amber
mpiexec --use-hwthread-cpus -n \${SLURM_NTASKS} singularity run \${SIFFILE} spdyn p\${SLURM_NTASKS}.inp

• 実行結果 ⇒ 正常動作

Output_Time> Averaged timer profile (Min, Max) total time = 21.991 setup = 0.852 dynamics = 21.138 【以降省略】

アプリの実行例2:gromacs



- 動作完了の条件 md.logの末尾に「Finished mdrun on rank 0 日時」のメッセージが出力される
- 入力データ https://ftp.gromacs.org/pub/benchmarks/ADH_bench_systems.tar.gz
- 実行スクリプト

#!/bin/bash
#SBATCH -p satf01
#SBATCH --ntasks=8
#SBATCH --cpus-per-task=4
#SBATCH --nodes=1
#SBATCH --ntasks-per-node=8
#SBATCH -J test gromacs

SIFFILE=~/vf-ver1.2_latest.sif

export SINGULARITY_BIND=/opt/amazon,/usr/lib64/libefa.so.1,/usr/lib64/libibverbs.so.1

mpiexec --use-hwthread-cpus -n 1 singularity run \${SIFFILE} gmx_mpi grompp -f pme_verlet.mdp -c conf.gro -p topol.top -o ions.tpr
mpiexec --use-hwthread-cpus -n \${SLURM_NTASKS} singularity run \${SIFFILE} gmx_mpi mdrun -ntomp \${SLURM_CPUS_PER_TASK} -s ions.tpr

• 実行結果 ⇒ 正常動作

Time:	Core t (s) 1825.922	Wall t (s) 57.060	(%) 3200.0	
Performance:	(ns/day) 30.287	(hour/ns) 0.792		

アプリの実行例3:scale

- 動作完了の条件 実行結果をもとにGrADSで作成した画像ファイルが<u>USERS GUIDE</u>の図3.1.1と一致する
- 入力データ https://scale.riken.jp/archives/scale-5.4.5.tar.gz
- 実行スクリプト



•実行結果 ⇒ <mark>正常動作</mark>

-3.2

